

1/17

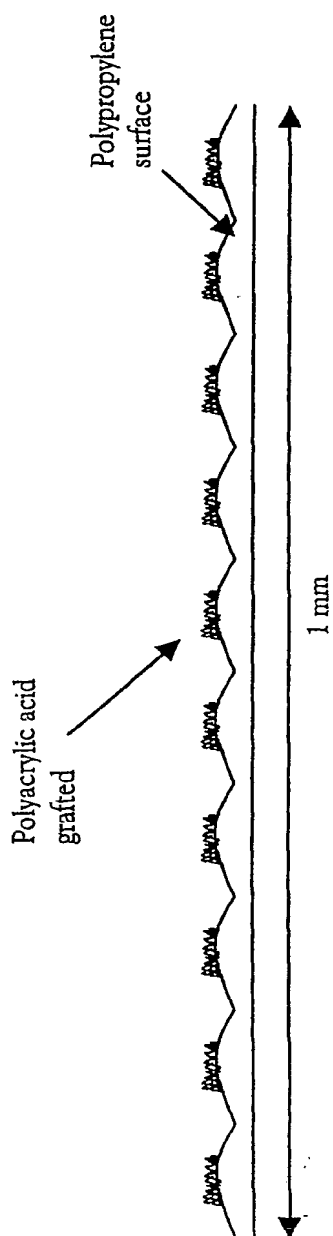


Fig. 1

2/17

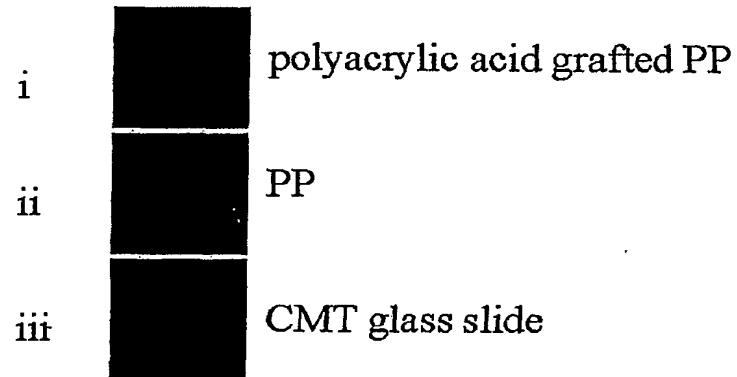


Fig. 2

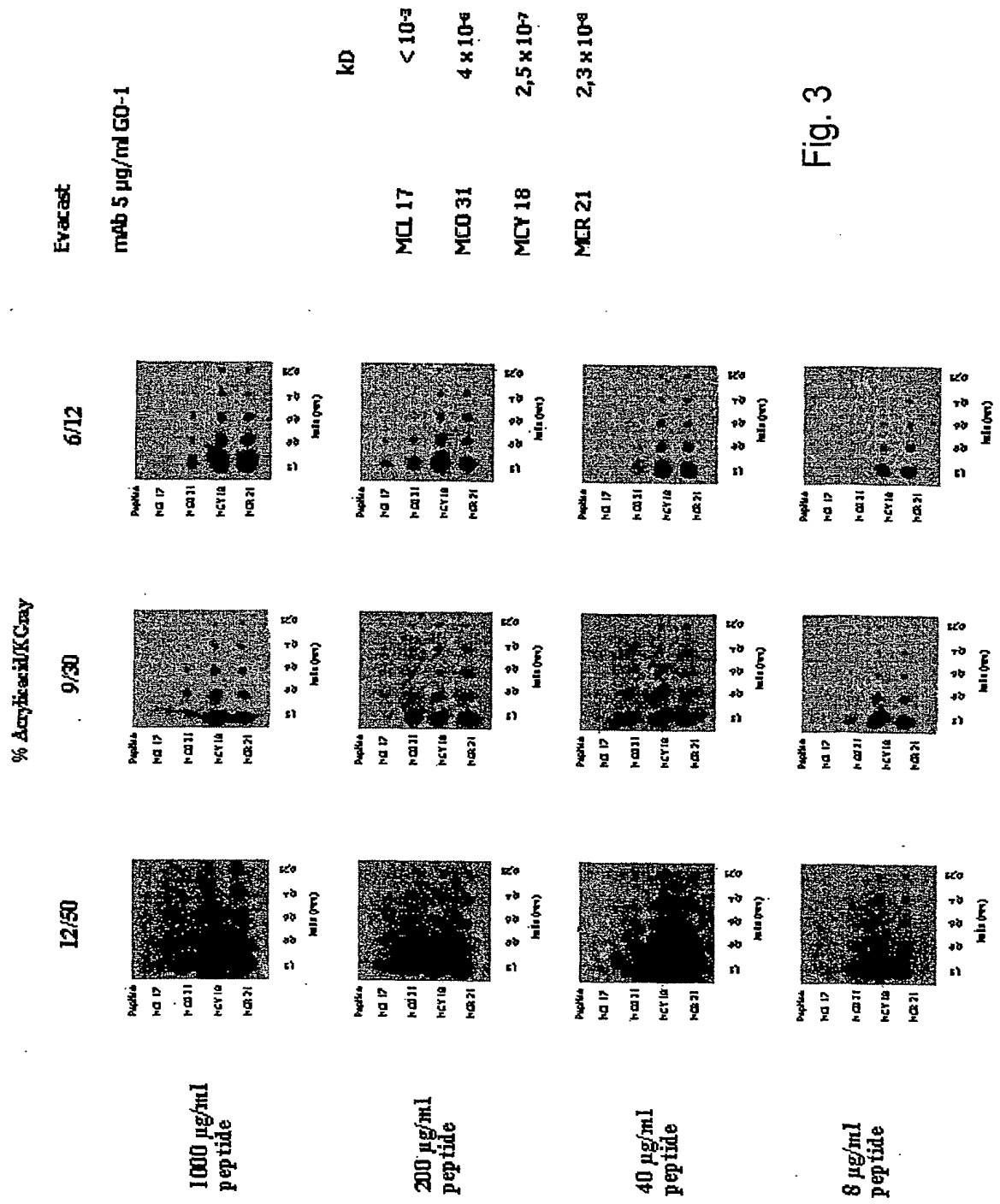


Fig. 3

4/17

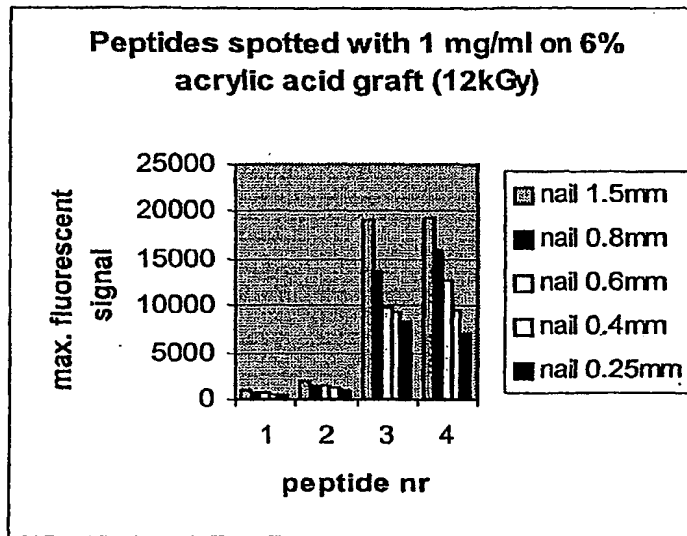


Fig. 4a

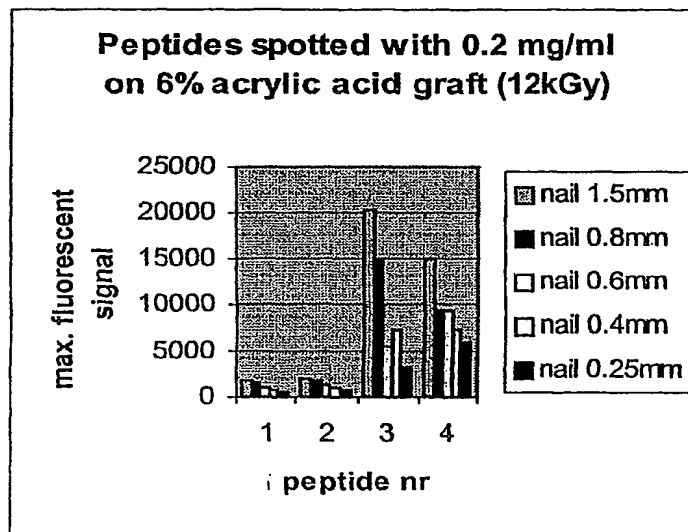


Fig. 4b

5/17

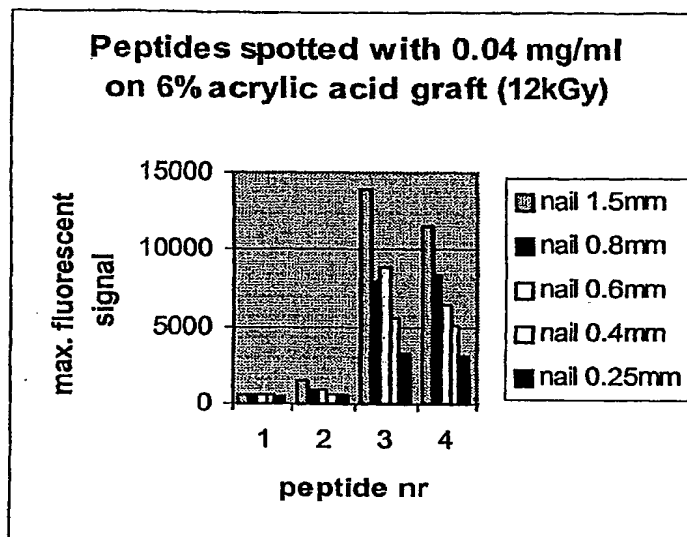


Fig. 4c

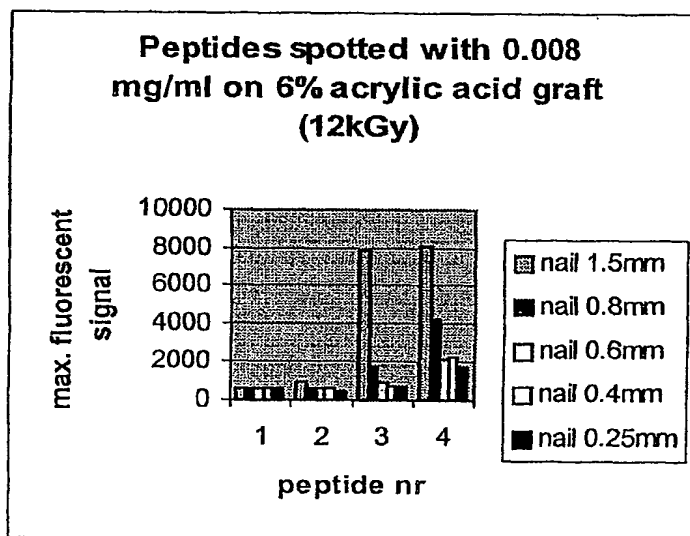


Fig. 4d

6/17

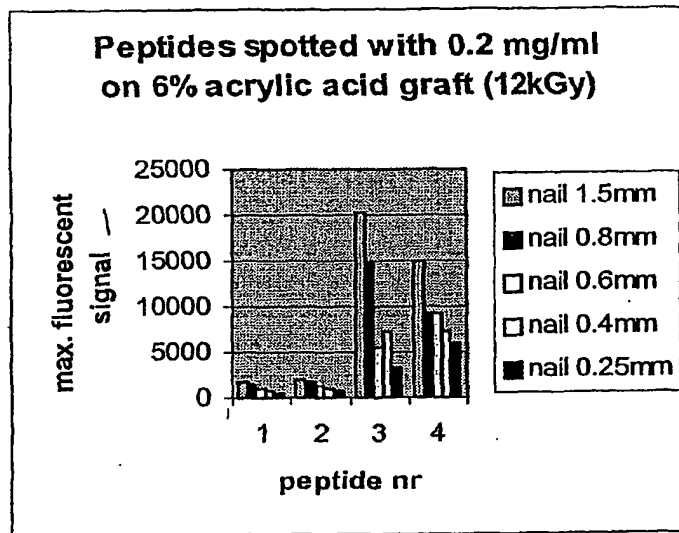


Fig. 5a

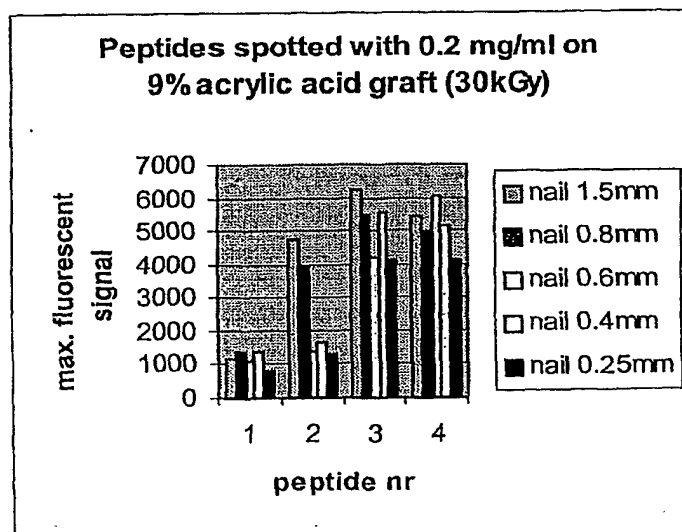


Fig. 5b

7/17

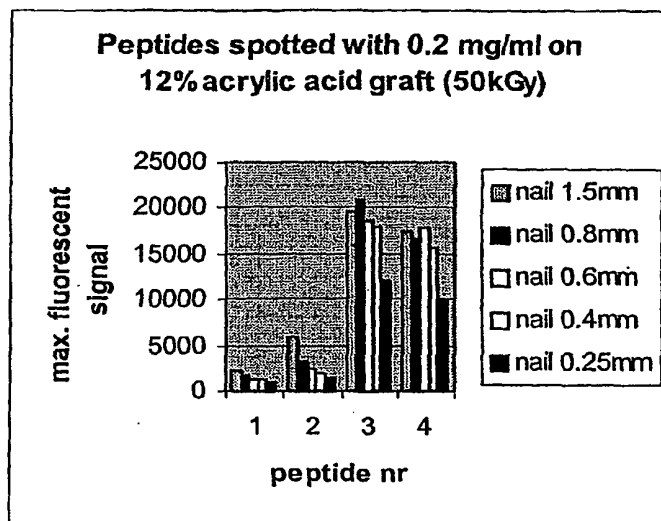


Fig. 5c

8/17

12345678901C\$ABCDEFGHJK-Solid Support
12345678901C\$BCDEFGHIJKL-Solid Support
12345678901C\$CDEFGHIJKLM-Solid Support
... and so on
23456789012C\$ABCDEFGHJK-Solid Support
23456789012C\$BCDEFGHIJKL-Solid Support
23456789012C\$CDEFGHIJKLM-Solid Support
... and so on

or

C12345678901\$ABCDEFGHJK-Solid Support
C12345678901\$BCDEFGHIJKL-Solid Support
C12345678901\$CDEFGHIJKLM-Solid Support
... and so on.
C23456789012\$ABCDEFGHJK-Solid Support
C23456789012\$BCDEFGHIJKL-Solid Support
C23456789012\$CDEFGHIJKLM-Solid Support
... and so on.

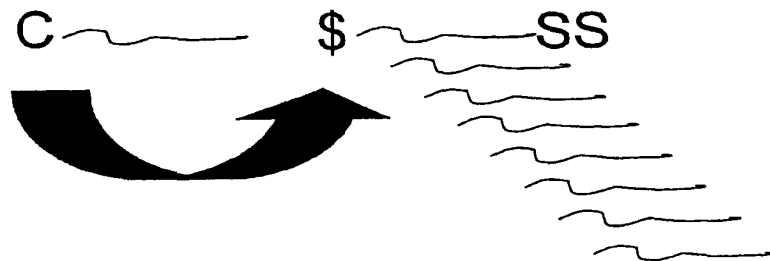


Fig. 6A

9/17

Bestandnaam: FSH-AB-BrAc
Aantal sequenties: 192

1)	APDVQDCPECTL	59)	CCVAKSYNVRTV
2)	PDVQDCPECTLQ	60)	CVAKSYNVRTVM
3)	DVQDCPECTLQE	61)	VAKSYNVRTVMG
4)	VQDCPECTLQEN	62)	AKSYNVRTVMGG
5)	QDCPECTLQENP	63)	KSYNVRTVMGGF
6)	DCPECTLQENPF	64)	SYNVRTVMGGFK
7)	CPECTLQENPFF	65)	YNVRTVMGGFKV
8)	PECTLQENPFFS	66)	NRVRTVMGGFKVE
9)	ECTLQENPFFSQ	67)	RVRTVMGGFKVEN
10)	CTLQENPFFSQP	68)	VTVMGGFKVENH
11)	TLQENPFFSQPG	69)	TVMGFKVENHT
12)	LQENPFFSQPGA	70)	VMGGFKVENHTA
13)	QENPFFSQPGAP	71)	MGGFKVENHTAC
14)	ENPFFSQPGAPI	72)	GGFKVENHTACH
15)	NPFFSQPGAPIL	73)	GFKVENHTACHC
16)	PFFSQPGAPILQ	74)	EKVENHTACHCS
17)	FFSQPGAPILQC	75)	KVENHTACHCST
18)	FSQPGAPILQCM	76)	VENHTACHCSTC
19)	SQPGAPILQCMG	77)	ENHTACHCSTCY
20)	QPGAPILQCMGC	78)	NHTACHCSTCYY
21)	PGAPILQCMGCC	79)	HTACHCSTCYYH
22)	GAPILQCMGCCF	80)	TACHCSTCYYHR
23)	APILQCMGCCFS	81)	ACHCSTCYYHKS
24)	PILQCMGCCFSR		
25)	ILQCMGCCFSRA		
26)	LQCMGCCFSRAY		
27)	QCMGCCFSRAYP		
28)	CMGCCFSRAYPT		
29)	MGCCFSRAYPTP		
30)	GCCFSRAYPTPL		
31)	CCFSRAYPTPLR		
32)	CFSRAYPTPLRS		
33)	FSRAYPTPLRSK		
34)	SRAYPTPLRSKK		
35)	RAYPTPLRSKKT		
36)	AYPTPLRSKKTML		
37)	YPTPLRSKKTML		
38)	PTPLRSKKTMLV		
39)	TPLRSKKTMLVQ		
40)	PLRSKKTMLVOK		
41)	LRSKKTMLVQKN		
42)	RSKKTMLVQKNV		
43)	SKKTMLVQKNVT		
44)	KKTMLVQKNVTS		
45)	KTMLVQKNVTSE		
46)	TMVQKNVTSESE		
47)	MLVQKNVTSEST		
48)	LVQKNVTSESTC		
49)	VQKNVTSESTCC		
50)	QKNVTSESTCCV		
51)	KNVTSESTCCVA		
52)	NVTSESTCCVAK		
53)	VTSESTCCVAKS		
54)	TSESTCCVAKSY		
55)	SESTCCVAKSYN		
56)	ESTCCVAKSYNR		
57)	STCCVAKSYNRT		
58)	TCCVAKSYNRTV		

Fig. 6B

10/17

82)	NSCELTNITIAI	143)	KVPGCAHHADSL
83)	SCELTNITIAIE	144)	VPGCAHHADSLY
84)	CELTNITIAIEK	145)	PGCAHHADSLYT
85)	ELTNITIAIEKE	146)	GCAHHADSLYTY
86)	LTNITIAIEKEE	147)	CAHHADSLYTYF
87)	TNITIAIEKEEC	148)	AHHADSLYTYFV
88)	NITIAIEKEECR	149)	HHADSLYTYFVA
89)	ITIAIEKEECRF	150)	HADSLYTYFPVAT
90)	TIAIEKEECRFC	151)	ADSLYTYFPVATQ
91)	IAIEKEECRFCI	152)	OSLYTYFPVATQC
92)	AIEKEECRFCIS	153)	SLYTYFPVATQCH
93)	IEKEECRFCISI	154)	LYTYFPVATQCHC
94)	EKEECRFCISIN	155)	YTFPVATQCHCG
95)	KEECRFCISINT	156)	TFPVATQCHCGK
96)	EECRFCISINTT	157)	YFPVATQCHCGKC
97)	ECRFCISINTTW	158)	FPVATQCHCGKCD
98)	CRFCISINTTWC	159)	VATQCHCGKCDSD
99)	RFCSINTTWC	160)	ATQCHCGKCDSD
100)	FCISINTTWCAG	161)	TQCHCGKCDSDS
101)	CISINTTWCAGY	162)	QCHCGKCDSDST
102)	ISINTTWCAGYC	163)	CHCGKCDSDSTD
103)	SINTTWCAGYCY	164)	HCGKCDSDSTDC
104)	INTTWCAGYCYT	165)	CGKCDSDSTDCT
105)	NTWCAGYCYTR	166)	GKCDSDSTDCTV
106)	TWCAGYCYTRD	167)	KCDSDSTDCTVR
107)	THCAGYCYTRDL	168)	CDSDSTDCTVRG
108)	WCAGYCYTRDLV	169)	DSdstDCTVRGL
109)	CAGYCYTRDLVY	170)	SDSTDCTVRGLG
110)	AGYCYTRDLVYK	171)	DSTDCTVRGLGP
111)	GICYTRDLVYKD	172)	STDCTVRGLGPS
112)	YCYTRDLVYKDP	173)	TDCTVRGLGPSY
113)	CYTRDLVYKDPA	174)	DCTVRGLGPSYC
114)	YTRDLVYKDPA	175)	CTVRGLGPSYCS
115)	TRDLVYKDPA	176)	TVRGLGPSYCSF
116)	RDLVYKDPA	177)	VRGLGPSYCSFG
117)	DLVYKDPA	178)	RGLGPSYCSFGE
118)	LVYKDPA	179)	GLGPSYCSFGEM
119)	VYKDPA	180)	LGPSYCSFGEMK
120)	YKDPA	181)	GPSYCSFGEMKZ
121)	KDPA		
122)	DPA		
123)	PA		
124)	A		
125)	P		
126)	K		
127)	Q		
128)	I		
129)	Q		
130)	K		
131)	T		
132)	C		
133)	T		
134)	F		
135)	R		
136)	E		
137)	I		
138)	V		
139)	Y		
140)	E		
141)	T		
142)	V		

Fig. 6B, contd.

11/17

Filenaam: fshacys
 Aantal sequenties: 82

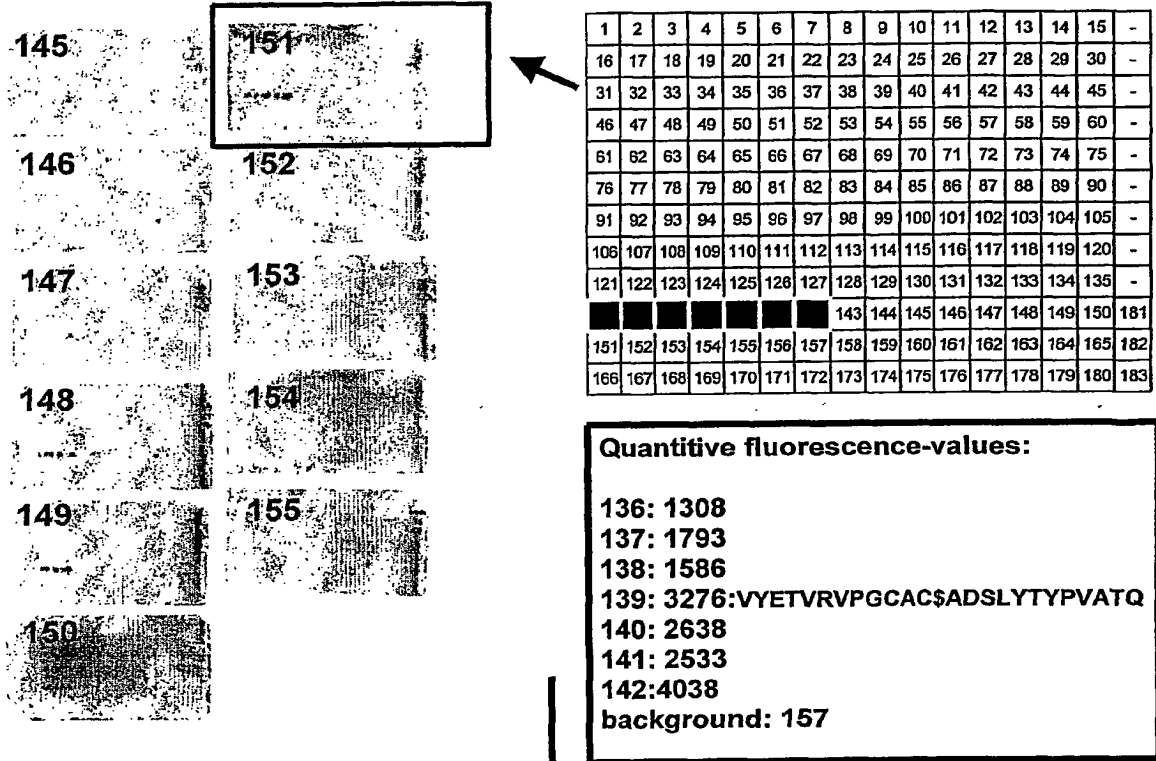
Filenaam: fshbcys
 Aantal sequenties: 101

1)	APDVQDCPECTC	58)	CTCCVAKSYNRV	83)	NSCELTNITIAI	140)	CYETVRVPGCAH
2)	CPDVQDCPECTL	59)	CCVAKSYNRVTC	84)	CSCELTNITIAI	141)	ETVRVPGCAHHC
3)	DVQDCPECTLQC	60)	CCVAKSYNRVTV	85)	CELTNITIAIEC	142)	CTVRVPGCAHHA
4)	CVQDCPECTLQE	61)	VAKSYNRVTVMG	86)	CELTNITIAIEK	143)	VVRVPGCAHHADC
5)	QDCPECTLQENC	62)	CARSYNRVTVME	87)	LTNITIAIEKEC	144)	CRVPGCAHHADS
6)	CDCECTLQENP	63)	RSYNRVTVMGCC	88)	CTNITIAIEKEE	145)	VPGCAHHADSLC
7)	CPECTLQENPFC	64)	CSYNRVTVMGFF	89)	NITIAIEKEECC	146)	CPGCAHHADSLY
8)	CPECTLQENPFF	65)	YNRVTVMGGFKC	90)	CTIAIEKEECCR	147)	GCAHHADSLYTC
9)	ECTLQENPFFSQ	66)	CNRVTVMGGFKV	91)	TAIEKEECCRFC	148)	CAHHADSLYTY
10)	CCTLQENPFFSQ	67)	RVTVMGGFKVEC	92)	CIAIEKEECCRFC	149)	AHHADSLYTYPC
11)	TLQENPFFSQPC	68)	CVTVMGGFKVEN	93)	ATIEKEECCRFC	150)	CHHADSLYTYPV
12)	CLQENPFFSQPG	69)	TVMGGFKVENHC	94)	CTIEKEECCRFC	151)	HADSLYTYPVAC
13)	QENPFFSQPGAC	70)	CVMGGFKVENHT	95)	EKEECCRFCISIC	152)	CADSLYTYPVAT
14)	CENPFFSQPGAP	71)	MGGFKVENHTAC	96)	CKEECCRFCISIN	153)	DSLYTYPVATQC
15)	NPFFSQPGAPIC	72)	CGGFKVENHTAC	97)	EECCRFCISINTC	154)	CSLYTYPVATQC
16)	CPFFSQPGAPIL	73)	GFKVENHTACHC	98)	CECCRFCISINTT	155)	LYTYPVATQCHC
17)	FFSQPGAPILQC	74)	CFKVENHTACHC	99)	CRFCISINTTWC	156)	CYTPPVATQCHC
18)	CFSQPGAPILQC	75)	KVENHTACHCSC	100)	CRFCISINTTWC	157)	TYPPVATQCHGCG
19)	SQPGAPILQCMC	76)	CVENHTACHCST	101)	FCISINTTWCAC	158)	CYPVATQCHGCG
20)	CQPGAPILQCMG	77)	ENHTACHCSTCC	102)	CCISINTTWCAG	159)	PVATQCHGCKCC
21)	PGAPILQCMGCC	78)	CNHTACHCSTCY	103)	ISINTTWCAGYC	160)	CVATQCHGCKCD
22)	CGAPILQCMGCC	79)	HTACHCSTCYVC	104)	CSINTTWCAGYC	161)	ATQCHGCKCDSC
23)	APILQCMGCCFS	80)	CTACHCSTCYH	105)	INTTWCAGYCYC	162)	CTQCHGCKCDSD
24)	CPILQCMGCCFS	81)	ACHCSTCYHRC	106)	CNTTWCAGYCYT	163)	QCHGCKCDSDSC
25)	ILQCMGCCFSRC	82)	CCHCSTCYHRS	107)	TTWCAGYCYTRC	164)	CHGCKCDSDST
26)	CLQCMGCCFSRA			108)	CTWCAGYCYTRD	165)	HGCKCDSDSTDC
27)	QCMGCCFSRAYC			109)	WCAGYCYTRDLC	166)	CGCKCDSDSTDC
28)	CCMGCCFSRAYP			110)	CCAGYCYTRDLV	167)	GKCDSDSDTCTC
29)	MGCCFSRAYPTC			111)	AGYCYTRDLVYC	168)	CKCDSDSDTCTV
30)	CGCCFSRAYPTP			112)	CGYCYTRDLVYK	169)	CDSDSDTCTVRC
31)	CCFSRAYPTPLC			113)	YCYTRDLVYKDC	170)	CDSDSDTCTVRG
32)	CCFSRAYPTPLR			114)	CCYTRDLVYKDP	171)	SDSDTCTVRGLC
33)	FSRAYPTPLRSC			115)	YTRDLVYKDPAC	172)	CDSDTCTVRGLG
34)	CSRAYPTPLRSK			116)	CTRDLVYKDPAR	173)	STDCTVRGLGPC
35)	RAYPTPLRSKRC			117)	RDLVYKDPARPC	174)	CTDCTVRGLGPS
36)	CAYPTPLRSKKT			118)	CDLVYEDPARPK	175)	DCTVRGLGPSYC
37)	YPTPLRSKKTMC			119)	LVYKDPARPKIC	176)	CCTVRGLGPSYC
38)	CPTPLRSKKTML			120)	CVYKDPARPKIQ	177)	TVRGLGPSYCS
39)	TPLRSKKTMLVC			121)	YKDPARPKIQKC	178)	CVRGLGPSYCSF
40)	CPLRSKKTMLVQ			122)	CKDPARPKIQKT	179)	RGLGPSYCSFGC
41)	LRSKKTMLVQKC			123)	DPARPKIQKTCC	180)	CGLGPSYCSFGE
42)	CRSKKTMLVQKN			124)	CPARPKIQKTCT	181)	LGPSYCSFGEMC
43)	SKKTMLVQKNVC			125)	ARPKIQKTCTFC	182)	CGPSYCSFGEMK
44)	CKKTMLVQKNVT			126)	CRPKIQKTCTFC	183)	PSYCSFGEMKEC
45)	KTMLVQKNVTSC			127)	PKIQKTCTFKEC		
46)	CTMLVQKNVTSE			128)	CKIQKTCTFKEL		
47)	MLVQKNVTSESC			129)	IQKTCTFKELVC		
48)	CLVQKNVTSEST			130)	CQKTCTFKELVY		
49)	VQKNVTSESTCC			131)	KTCFTFKELVYEC		
50)	CQKNVTSESTCC			132)	CTCTFKELVYET		
51)	KNVTSESTCCVC			133)	CTFKELVYETVC		
52)	CNVTSESTCCVA			134)	CTFKELVYETVR		
53)	VTSESTCCVAKC			135)	FKELVYETVRVC		
54)	CTSESTCCVAKS			136)	CKELVYETVRVP		
55)	SESTCCVAKSYC			137)	ELVYETVRVPGC		
56)	CESTCCVAKSYN			138)	CLVYETVRVPGC		
57)	STCCVAKSYNRC			139)	VYETVRVPGCAC		

Fig. 6C

12/17

Card 151, in detail



Total picture of ca. 40.000
 25-mer peptides

Matrix-scan mAb-01 (5 ug/ml)

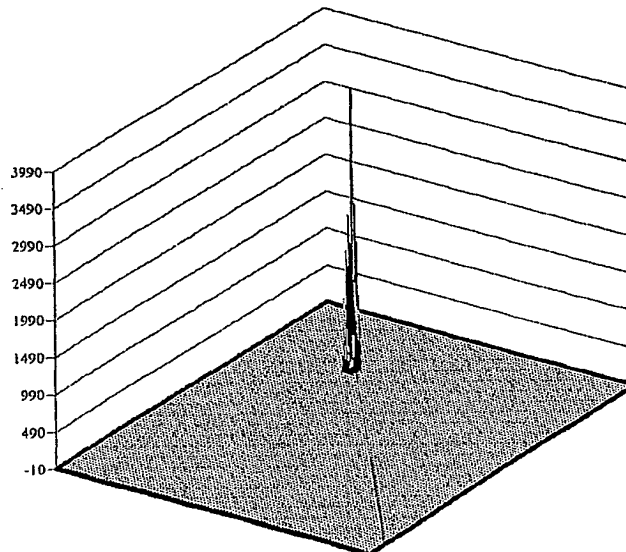


Fig. 6D

13/17

Solid Support-C\$12345678901C\$NOPQRSTUVWXYZC\$BCDEFGHIJKLM
Solid Support-C\$23456789012C\$OPQRSTUVWXYZC\$CDEFGHIJKLMN
Solid Support-C\$34567890123C\$PQRSTUVWXYZAC\$DEFGHIJKLMNO
... and so on.

Fig. 7A

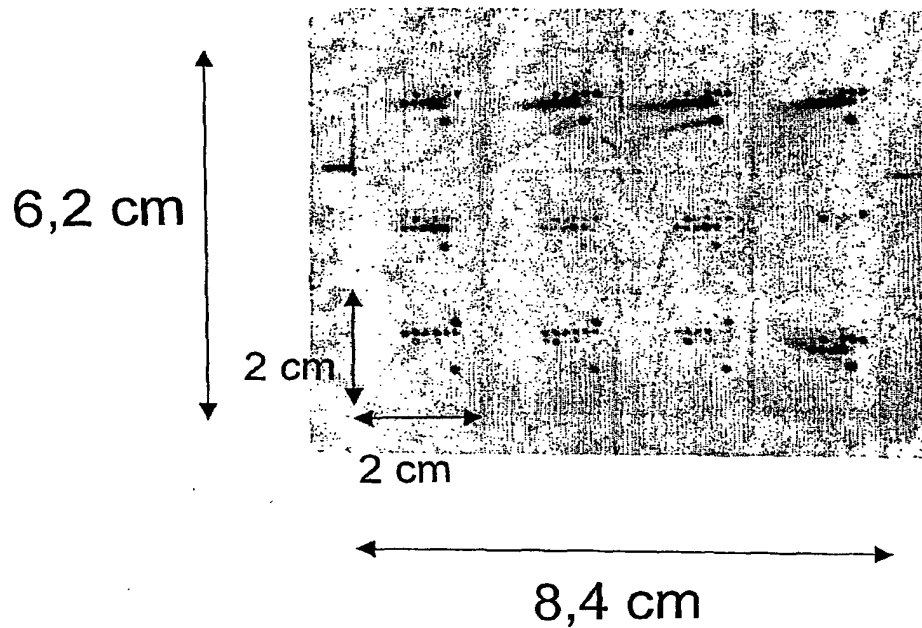


Fig. 7B

TITLE: PIXEL ARRAYS

Inventor: Wouter et. al.

Serial No.: Not yet assigned

Docket No.: 2183-6064US

14/17

6	CKELVYETVRVPG	0	7	ELVYETVRVPGAC	0	8	CLVYETVRVPGAA	0	9	VYETVRVPGAAHC	1	KTATFKELVWETC
	1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36		1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36		1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36		1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36		1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36	2	CTATFKELVWETV	
											3	ATFKELVWETVRC
											4	CTFKELVYETVRV
											5	FKELVYETVRVPC
											6	CKELVYETVRVPG
											7	ELVYETVRVPGAC
											8	CLVYETVRVPGAA
											9	VYETVRVPGAAHC
											10	CYETVRVPGAAHH
											11	ETVRVPGAAHHAC
											12	CTVRVPGAAHHAD
											13	VRVPGAAHHADSC
											14	GRVPGAAHHADSL
											15	VPGAAHHADSLYC
											16	CPGAAHHADSLYT
											17	GAAHHADSLTYTC
											18	CAHHADSLTYTP
											19	AHHADSLTYTPVC
											20	CHHADSLTYTPVA
											21	HADSLTYTPVATC
											22	CADSLTYTPVATQ
											23	DSLTYTPVATQAC
											24	CSLYTPVATQAH
											25	LYTPVATQAHAC
											26	CYTPVATQAHAG
											27	TPVATQAHAGKC
											28	CYPVATQAHAGKA
											29	PVATQAHAGKADC
											30	CVATQAHAGKADS
											31	ATQAHAGKADSDC
											32	CTQAHAGKADSDS
											33	QAHAGKADSDSTC
											34	CAHAGKADSDSTD
											35	ADSLTYTPVATQC
											36	VYETVRVPGC

Fig. 7C

15/17

0	6	CKELVYETVRVPG	1	KTATFKELVYETC	107	1	107
			2	CTATFKELVYETV	97	2	97
			3	ATFKELVYETVRC	98	3	98
			4	CTFKELVYETVRV	101	4	101
			5	FKELVYETVRVPC	101	5	101
			6	CKELVYETVRVPG	124	6	124
			7	ELVYETVRVPGAC	107	7	107
			8	CLVYETVRVPGAA	112	8	112
			9	VYETVRVPGAAHC	121	9	121
			10	CYETVRVPGAAHH	116	10	116
			11	ETVRVPGAAHHAC	109	11	109
			12	CTVRVPGAAHHAD	129	12	129
			13	VRVPGAAHHADSC	125	13	125
			14	CRVPGAAHHADSL	555	14	555
			15	VPGAAHHADSLYC	380	15	380
			16	CPGAAHHADSLYT	206	16	206
			17	GAAHHADSLYTYC	184	17	184
			18	CAHHADSLYTYTP	420	18	420
			19	AHHADSLYTYPVC	1332	19	1332
			20	CHHADSLYTYPVA	920	20	920
			21	HADSLYTYPVATC	994	21	994
			22	CADSLYTYPVATQ	1056	22	1056
			23	DSLYTYPVATQAC	229	23	229
			24	CSLYTYPVATQAH	101	24	101
			25	LYTYPVATQAHAC	119	25	119
			26	CYTPVATQAHAG	124	26	124
			27	TYPVATQAHAGKC	139	27	139
			28	CYPVATQAHAGKA	147	28	147
			29	PVATQAHAGKADC	143	29	143
			30	CVATQAHAGKADS	150	30	150
			31	ATQAHAGKADSDC	115	31	115
			32	CTQAHAGKADSDS	111	32	111
			33	QAHAGKADSDSTC	130	33	130
			34	CAHAGKADSDSTD	143	34	143
			35	ADSLYTYPVATQC	1047	35	1047
			36	VYETVRVPGC	197	36	197

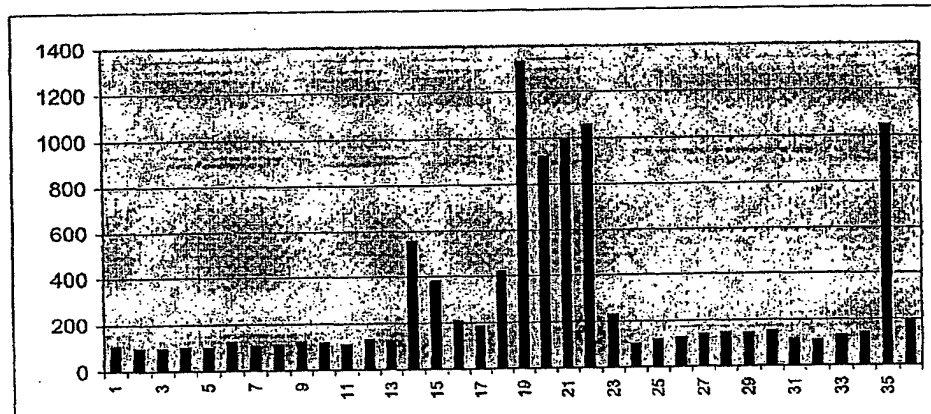


Fig. 7D

16/17

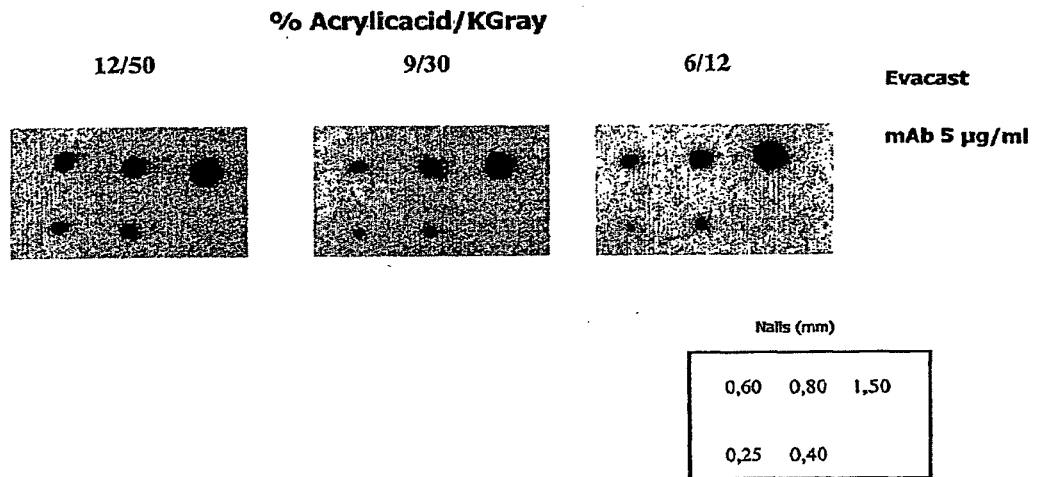


Fig. 8

17/17

Fig. 9

